

Sample Requirements Guide

Preparation of samples for submission to the MAGIC (McGill Applied Genomics Innovation Core) platform at the McGill Genome Centre must be done according to the specifications below. Samples must be supplied in the **Carrier Type** specified (recommended catalog numbers at bottom of page) and follow our guidelines for the **Volumes, Quantity, and Concentrations** requested. Samples that do not meet these requirements may not be guaranteed the desired results, may result in delays to the project and/or may be subject to additional labor charges and will be communicated to the client before proceeding.

The waybill must be provided at the same time as sample submission to the lab for tracking purposes and also in order to prevent delays.

Illumina Sequencing

Sample Type	Carrier Type	Minimal Volume (µL)	Minimal Conc. (ng/µL)	Maximum Volume (µL)	Minimal Library Conc (nM)	Maximal Library Conc (nM)
DNA for WGS	96-well plate LoBind, skirted ¹	40	25	100		
DNA for WGBS / Exome	96-well plate LoBind, skirted ¹	40	50	100		
RNA	1.5 mL LoBind Tube in a stock box ²	10	150	15		
Illumina library	96-well plate LoBind, skirted ¹	25		100	3nM	100 nM
Pool of Illumina libraries	96-well plate LoBind, skirted ¹	25		100	3nM	100 nM

MGI Sequencing

Sample Type	Carrier Type	Minimal Volume (µL)	Minimal Concentration. (ng/µL)	Maximum Volume (µL)
DNA for WGS	96-well plate LoBind, skirted ¹	40	50	100
DNA for WGBS	96-well plate LoBind, skirted ¹	40	10	80
RNA	1.5 mL LoBind Tube in a stock box ²	10	150	20
Illumina library for MGI conversion	96-well plate LoBind, skirted ¹	25	25	100

Genotyping

Sample Type	Carrier Type	Minimal Volume (µL)	Minimal DNA Concentration (ng/µL)
DNA for Axiom Genotyping	96-well plate LoBind, skirted ¹	50	15
DNA for Illumina Infinium	96-well plate LoBind, skirted ¹	12	50
DNA for SNPtype on Biomark HD, per panel	96-well plate LoBind, skirted ¹	10	20
DNA for TaqMan on LC 480 II, per assay	96-well plate LoBind, skirted ¹	10	10

Recommended carrier type

¹96-well plate LoBind, skirted – Eppendorf catalog #30129512 **OR** BioRad Hard-Shell Low-Profile 96-Well PCR Plates, thin-wall, skirted

²1.5 mL LoBind Tube in a stock box – Eppendorf catalog #22431021

Guide d'Échantillonnage

La préparation des échantillons à soumettre à la plateforme de génomique MAGIC (McGill Applied Genomics Innovation Core) au Centre Génome McGill doit être effectuée conformément aux renseignements ci-dessous. Les échantillons doivent être envoyés dans le type de récipient spécifié (numéros du catalogue recommandés sont indiqués en bas de page). Veuillez suivre nos directives concernant le volume, la quantité et la concentration demandés. Si les échantillons ne sont pas conformes aux exigences ci-dessous, la qualité des résultats souhaitée ne peut pas être garantie ; ceci peut résulter en un retard dans le projet et/ou entraîner des frais de main-d'œuvre supplémentaires qui seront communiqués au client avant de procéder.

Le bordereau doit être fournis au laboratoire au moment de la soumission de l'échantillon pour des raisons de suivi et afin d'éviter les délais.

Séquençage Illumina

Type d'échantillon	Type de récipient	Volume Minimal (µL)	Conc Minimale (ng/µL)	Volume Maximal (µL)	Librairie Minimale Conc (nM)	Librairie Maximale Conc (nM)
ADN pour le séquençage du génome entier (WGS)	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	40	25	100		
ADN pour le séquençage de génome bisulfite (WGBS) / Exome	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	40	50	100		
ARN	Tube LoBind 1.5 mL dans une boîte de stockage ²	10	150	15		
Librairie Illumina	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	25		100	3nM	100 nM
Pool de librairies Illumina	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	25		100	3nM	100 nM

Séquençage MGI

Type d'échantillon	Type de récipient	Volume Minimal (µL)	Conc Minimale (ng/µL)	Maximum Volume (µL)
ADN pour le séquençage du génome entier (WGS)	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	40	50	100
ADN pour le séquençage de génome bisulfite (WGBS)/Exome	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	40	10	80
ARN	Tube LoBind 1.5 mL dans une boîte de stockage ²	10	150	20
Librairie Illumina pour conversion vers MGI	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	25	25	100

Génotypage

Type d'échantillon	Type de récipient	Volume Minimal (µL)	Concentration Minimale d'ADN (ng/µL)
ADN Pour le Génotypage Axiom	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	50	15
ADN pour Illumina Infinium	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	12	50
ADN pour PSN Biomark HD, par panel	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	10	20
ADN pour TaqMan sur LC 480 II, par analyse	Plaque 96 puits LoBind à jupe ¹	10	10

Type de Récipient Recommandé

¹ Plaque 96 puits LoBind à jupe – Eppendorf catalogue #30129512 **OU** BioRad Hard-Shell Low-Profile 96-Well PCR Plates, thin-wall, skirted

² Tube LoBind 1.5 mL dans une boîte de stockage – Eppendorf catalogue #22431021